

ABSTRAKT

Receptor pro produkty pokročilé glykace (RAGE), solubilní RAGE (sRAGE) a jejich ligandy mají významné postavení v patogeneze karcinomu. Glyoxaláza I (GLO I) je enzym, který detoxifikuje prekurzory produktů pokročilé glykace (AGE). Použitím PCR-RFLP jsme analyzovali u 214 pacientů a 154 zdravých kontrol čtyři polymorfismy RAGE (rs1800625 RAGE -429T/C, rs1800624 -374T/A, rs3134940 2184A/G, rs2070600 557G/A (G82S), a GLO1 rs4746 419A/C(E111A)). Zjistili jsme významný rozdíl ve frekvenci alel a genotypu GLO1 E111A (419A/C) SNP mezi nemocnými a kontrolní skupinou — vyšší frekvence alely C u ccRCC—58.6 vs. 44,5 % než u kontrol, OR (95 % CI) 1.77 (1.32–2.38), $p=0.0002$ (corrected $p=0.001$); OR (95 % CI) CC vs. AA 2.76 (1.5–4.80), $p=0.0004$ (corrected $p=0.002$); a AC+CC vs. AA 2.03 (1.23–3.30), $p=0.0034$ (corrected $p=0.017$). Hodnoty sRAGE jsme hodnotili v podskupině 132 pacientů. sRAGE jsme stanovovali před operací a tři týdny, tři měsíce a 6 měsíců po operaci a v době relapsu. Podle relapsu jsme nemocné rozdělili do dvou skupin. Ve skupině bez relapsu došlo v průběhu sledování k elevaci sRAGE. Hodnota sRAGE u pacientů s relapsem byla stabilní. V naší práci jsme nezjistili rozdíl mezi kontrolou a skupinou ccRCC. Naše výsledky naznačují, že existuje spojení mezi E111A GLO I SNP a výskytem ccRCC a význam sRAGE ve follow-up nemocných s lokalizovaným ccRCC.

Klíčová slova: RAGE, sRAGE, glyoxaláza I, karcinom ledviny, polymorfismus