

## Posudek oponenta na diplomovou práci

Oponentský posudek

Jméno posuzovatele: Radovan Fišer

Datum: 26.5.2023

Autor: Kateřina Mašková

Název práce:

Hypotetický protein Spr1962 jako nový substrát signální dráhy Ser/Thr proteinkinázy StkP a fosfatázy PhpP

### Cíle práce

Cíle na str. 35 jsou velmi podrobné, oceňuji jejich určitost a srozumitelnost:

1. Vytvořit mutantní kmen  $\Delta$ spr1962 na genetickém pozadí kmenů R6, Rx a D39 a charakterizovat jeho morfologické a růstové vlastnosti.
2. Prokázat fosforylaci proteinu Spr1962 proteinkinázou StkP v podmínkách in vivo.
3. Připravit fosfoablativní a fosfomimetickou formu proteinu Spr1962 v pozici T273 a charakterizovat morfologické a růstové vlastnosti kmenů.
4. Potvrdit místo fosforylace proteinu Spr1962 proteinkinázou StkP v podmínkách in vivo.
5. Vytvořit komplementační kmen a porovnat jeho fenotypový projev ve srovnání s divokým kmenem a mutantním kmenem  $\Delta$ spr1962.
6. Připravit kmen *S. pneumoniae* exprimující fúzní protein Spr1962-GFP a určit místo lokalizace proteinu v buňce.
7. Charakterizovat deleční, fosfoablativní a fosfomimetické kmeny za stresových podmínek (teplotní stres a pH stres).
8. Porovnat sekretom mezi divokým typem a mutantním kmenem  $\Delta$ spr1962.
9. Prokázat asociaci proteinu Spr1962 s cytoplasmatickou membránou pomocí frakcionace u mutantního kmene  $\Delta$ spr1962 a kmene s fosfoablativní záměnou v pozici T273.

### Struktura (členění) práce, odpovídá požadovanému? ANO NE

Rozsah práce (počet stran): 123

Je uveden anglický abstrakt a klíčová slova, ANO

Je uveden seznam zkratk? ANO (ale chybí např. zkratka SEDS)

### Literární přehled:

Odpovídá tématu? ANO

Je napsán srozumitelně? ANO, a je velmi podrobný.

Použil(a) autor(ka) v rešerši relevantní údaje z literárních zdrojů? ANO

Jsou použité literární zdroje dostatečné a jsou v práci správně citovány?

ANO (méně přehledně internetové odkazy)

### Materiál a metody:

Odpovídají použité metody experimentální kapitole? ANO

Bylo použito mnoho metod: práce s bakteriemi, DNA, proteiny, mikroskopie, ...

Metody jsou popsány srozumitelně a velmi precizně.

**Experimentální část:**

Je vysvětlen cíl experimentů? ANO, čtenář se dozví souvislosti mezi pokusy  
Dokumentace výsledků je dostačující, chybí možná jen kvantifikace některých růstových rychlostí.

Postačuje množství experimentů k získání odpovědí na zadané otázky?  
ANO, množství provedených pokusů je spíše nadstandardně vysoké.

**Diskuze:**

Je opravdu diskuzí, nejde jen o konstatování vlastních výsledků? ANO  
Jsou výsledky porovnávány s literaturou? ANO  
Jsou uvedeny nějaké hypotézy či návrhy na další řešení problematiky? ANO  
Diskuze je opravdu velmi rozsáhlá (str. 94-111).

**Závěry (Souhrn) :**

Jsou výstižné? ANO

**Formální úroveň práce** (obrazová dokumentace, grafika, text, jazyková úroveň):

Jazyková úroveň je na velmi dobrá. Dále uvádím konkrétní formální připomínky.  
Na obrázky je z textu odkazováno prakticky vždy těsně pod obrázkem, což není ideální (platí do str. 35, dále ve výsledcích).

Obtékání textu kolem obrázků někdy vede k tomu, že je obrázek moc malý, až nečitelný (Obr. 15, str. 58, Obr. 26, str. 72).

Obrázek 39 v sobě zahrnuje podstatnou část obrázku 18. To samo o sobě není problém, ale mělo by to být v textu zmíněno.

Tab. 3 je chybně označena jako Tab. 2 (str. 24).

Označní " Mn-dependentní anorganická fosfatáza" a " Mn<sup>2+</sup>-dependentní enzym" je nejednotné a jazykově nešťastné.

Latinské názvy organismů v seznamu literatury nejsou kurzívou.

**Splnění cílů práce a celkové hodnocení:**

Velmi podrobně vysvětlené metody (včetně objasnění jejich principu; Polymerázová řetězová reakce, Elektroforéza v agarózovém gelu, izolace z gelu, Izolace chDNA *S. pneumoniae*, Místně specifická mutagenese, ...) mohou výborně sloužit pro někoho, kdo bude chtít podobné pokusy zopakovat. Oceňuji Tab. 1-2 (substráty StkP). Přehledné jsou také tabulky charakterizující kmeny, oligonukleotidy apod.

Pěkné a podrobné jsou úvodní kapitoly: Proteinkináza StkP a fosfatáza PhpP, Membránové mikrodomény, ... Protein Spr1962 (SPD\_1984).

Oceňuji tvorbu bodových mutací T273A, T273E (fosfoablatická a fosfomimetická) a jejich podrobnou charakterizaci.

Většina cílů byla splněna. Tam kde došlo ke komplikacím, je diskutován další možný směr výzkumu. Co se týká množství provedených pokusů, dosažených výsledků, ale i jejich prezentace, pokládám práci za nadprůměrnou.

### Otázky oponenta:

- Můžete komentovat úlohu předpokládané nestrukturované oblasti proteinu StkP mezi N-koncovou cytosolickou doménou a transmembránovou částí (Obrázek č. 3, str. 15)? Co dále znamená tvrzení, že tři PASTA (Penicillin-binding protein And Serine/Threonine kinase Associated ) domény "jsou membránově axiální a jedna membránově distální"?
- Uvádíte, že "StkP se po přijetí signálu aktivuje a dimerizuje (Pallová et al., 2007). Těsné přiblížení dvou cytosolických domén StkP indukuje schopnost autofosforylace, následkem čehož dochází ke změně konformace a celkové aktivity." Jak je to u jiných typů senzorů dvoukomponentních systémů?
- Co znamená, že "Delečního mutanta [fosfatázy PhpP] lze sice získat, avšak delším pasážíváním dochází k hromadění supresorových mutací"?
- str. 62. Obr. 19: bylo by možná vhodné zobrazit i nižší počáteční hodnoty OD. V legendě obrázku se uvádí: "Delece v genu spr1962 nemá za standardních podmínek vliv na schopnost růstu." Nicméně kmen Sp208 (wt) roste pomaleji než Sp262 ( $\Delta$ spr1962::SJK) - jaké je vysvětlení? Nejsou zde uvedeny konkrétní rychlosti růstu (ačkoliv by stačilo připraveným grafem růstové křivky proložit přímkou). Doby zdvojení jsou uváděny pouze u teplotního stresu (tab. 19) a pH stresu (tab. 20). Zde chybí statistická analýza (s ohledem na chybu stanovení směrnice).
- str. 64, tab 15: pro všechny bakteriální konstrukty odvozené od kmenů R6, Rx a "Rx, $\Delta$ phpP" platí, že délka buněk dokonale koreluje s jejich šířkou (toto však není v tabulce vyhodnoceno). Tedy, že buňky mají předveditelný tvar: šířka=0,246xdélka+0,322. Pro kmen D39 to však neplatí (buňky jsou celkově kulatější). Máte nějaké vysvětlení? U této tabulky není napsáno, jak byla prováděna statistická analýza (asi shodně s Obr. 20).
- str 72: Jak brání FLAG epitop fosforylaci Spr1962, vzhledem k předpokládané struktuře (viz obr. 10, 13)? Je běžné (dle literatury), že by vložený linker (str. 81) zvyšoval míru fosforylace? A naopak, jak funguje konstrukt Spr1962-GFP?

### Připomínky oponenta:

(připomínka je větší množství, protože práce samotná je velmi obsáhlá)

- Jak se *S. pneumoniae* brání (jak je přizpůsoben) zvýšeným hladinám  $H_2O_2$ , který sám produkuje pyruvát oxidázou?
- str. 70, tab 16: Jak se mění délka buněk původního kmene D39 bez delecí a bez komplementace při přidávání  $Zn^{2+}$ ?
- Obr. 1: Není vysvětlena produkce prekurzorů peptidových feromonů. Jedná se o jakýsi cyklický proces?
- Jaká sekvence Pre-CSP je štěpena? Jak vypadá 17 AA produkt? (str. 13: Ze strukturního genu *comC* je syntetizován jako protein ComC neboli Pre-CSP, který obsahuje 41 aminokyselin (Pestova et al., 1996). Následně je část peptidu odštěpená

ABC transportérovým systémem ComA/ComB, který má zároveň proteázovou aktivitu. Odštěpením N-koncové části se stává aktivním feromonem a je exportován z buňky)

- Flotiliny - z čeho pochází název této domény SPFH; "band-7 doména"? Jaká je sekvenční příbuznost členů této rodiny? (Obr. 11 ukazuje strukturní podobnost - patrně konvergentní).
- Nebylo by vhodné použít pro sledování lokalizace fluorescenčně značených proteinů konfokální nebo "superrezoluční" fluorescenční mikroskop?
- str. 55: Co znamená "Spolu se  $ZnCl_2$  byl přidán také  $MnCl_2$  pro zlepšení životaschopnosti kultur v poměru 1:10 k zinku"? Proč?
- D39, spr1962-gfp... jak je to s hladinou exprese proteinu z nativního lokusu (str. 76)? Opravdu je zde vyšší, než u ektopicky exprimovaného indukibilního promotoru (str. 73)? Dá se podle intenzity fluorescence odhadnout, jaké množství proteinu Srp1962 v buňce je?
- Jak byly vybírány buňky pro měření rozměrů vzhledem k růstovému cyklu? Pozorovaný rozptyl hodnot (např. délky) pro jeden kmen je až 2,5 násobný.

#### **Překlepy a drobné chyby:**

str. 13, 54, 55, 57, 112 *S. pneumoniae* není kurzívou.

str. 12 "Díky, které je schopna transformace, tedy přijmout..."

Obr. 4, 5, 12 *B. subtilis* není kurzívou.

str. 28 "Bacillus Anthracis", "Listeria Monocytogenes"

Obr. 11 Co značí černý kroužek?

Obr. 11 je umístěn mezi obrázky 3 a 4.

Tabulka označená Tab 10 je v práci dvakrát (str. 39 a 41)

str. 48: "standartních", str. 49, 62, atd.

Označení na str. 53: "Tab. č. 14. str."

PDF soubor není dobře indexovaný, např. písmeno "ž" -> "t". Soubor tak není dobře prohledatelný.

str. 57: hladina významnosti se označuje "p".

str. 61: "Díky delecí fosfatázy PhpP se jedná o hyperfosforylovaný kmen"

str. 65: není čitelné měřítko u fotografií

str. 73: "Schéma vektoru pJWV25 pZn-spr1962-gfp je znázorněna"

str. 74 "Tyto foci byly viditelné"

str. 75: "délky buněk zobou experimentů "

Návrh hodnocení oponenta: **výborně**

Podpis oponenta: