

Abstrakt

Tato bakalářská práce je zaměřena na využití metod strojového učení a deep learning, při snaze automatizovat anotace buněk na základě jejich genové exprese (single-cell data). Především se zabývá využitím transformerů a architektur od nich odvozených, tedy performery. Hlavní část práce se věnuje popisu a charakteristice, jak tyto architektury fungují v jejich základní formě, popis modelů vytvořených pro anotaci buněk a jejich následné porovnání.