

## **Abstrakt**

Repetitivní sekvence DNA představují významnou část genomů mnoha eukaryotických organismů. U obojživelníků, kteří se vyznačují velkými genomy, bývají repetitivní sekvence zastoupeny ve velkém množství. Obojživelníci mohou ve svém genomu obsahovat různé druhy repetitivních sekvencí, jako například tandemové repetice ve formě satelitní DNA, ribozomální DNA, histonu H3, mikrosatelitní DNA či transponovatelných elementů jako jsou DNA transpozony a retrotranspozony, které mohou být u různých druhů rozdílné v zastoupení, počtu a variabilitě těchto sekvencí. Studium repetitivních sekvencí je důležité pro pochopení evoluce a evolučních procesů, které obojživelníky provázejí. Repetitivní sekvence hrají důležitou roli v mnoha genetických a epigenetických procesech, jako je strukturování chromozomů, regulace genové exprese a genomová stabilita. Repetitivní sekvence jsou zdrojem genetické variability, která je důležitá pro evoluční procesy.

**Klíčová slova:** repetitivní sekvence, obojživelníci, žáby, mloci, červoři, tandemové repetice, rozptýlené repetice